

大学院集中講義

プロテオミクス実験法・同実習

新興分野人材養成「ナノテク・バイオ・IT 融合教育プログラム (NaBiT)」
生命科学系集中講義

9月17日(火) ~ 9月26日(木)

授業は午前 10:00 から開始します (変更する場合があります)。
各日の午前中は講義, 午後は実習の予定です。

ポストゲノムの時代を迎え, プロテオミクス研究においてますます主要な解析手法になりつつあるタンパク質の質量分析法と X 線結晶構造解析について最新機器を用いた実験法の講義と実習を行います。
質量分析法, X 線構造解析法をそれぞれ 3 日間ずつ計 6 日間行います。

日程・講義室と主な内容

9月17日(火)、19日(木)、20日(金) (結晶作成の都合上 18日(水)は空けます)

X 線結晶構造解析 (理学部 C104 号室, N-BARD RI センター L302 号室)

① タンパク質の結晶化, ② X 線回折実験, ③ 電子密度図の計算

9月24日(火) 9月25日(水)、26日(木)、

質量分析法 (理学部 A017 号室, N-BARD 遺伝子実験施設 201 号室)

① 電気泳動ゲルからの試料調製, ② 質量分析装置の使用法

担当および問い合わせ先

X 線結晶構造解析

片柳 克夫 (統合生命科学研究科 数理生命科学プログラム)

kkata@hiroshima-u.ac.jp ; 内線 7388 ; 居室 A216

質量分析法

泉 俊輔 (統合生命科学研究科 数理生命科学プログラム)

shun@hiroshima-u.ac.jp ; 内線 7435 ; 居室 C305

履修を希望する学生は 9月10日(火)までにもみじに登録してください。

講義コード : WG125002

(初回は 9/17 の午前 10 時に A017 に集合)