

教員インタビュー

研究を語る

橋 真一 教授

Tate Shinichi Prof.

分子生物物理学研究室



タンパク質の動的構造と機能との相関解明に関する研究

- ▲ タンパク質構造の揺らぎ、特に天然変質領域（ID領域）が持つ新たな機能の解明
- ▲ 高分子量タンパク質の分子形態変化を観測するNMR技術の開発
- ▲ 核内クロマチン構造・動態による遺伝情報制御機構の解明

数理生命科学プログラム

生命医科学プログラム

細胞内のタンパク質構造を、「揺らぎ」の側面から解明する。

橋先生は、生命の根源を理解しようとする「生物物理学」のオーソリティである。なかでも先生が扱うのは分子レベル、とりわけ、細胞内のタンパク質を研究対象としている。

「興味の中心は、分子を通して生命を理解したいということ。でき得るならば、生命現象を物理や数学のことばで記述したい、理解したいという思いが、ぼくの研究のモチベーションです」と先生は言う。

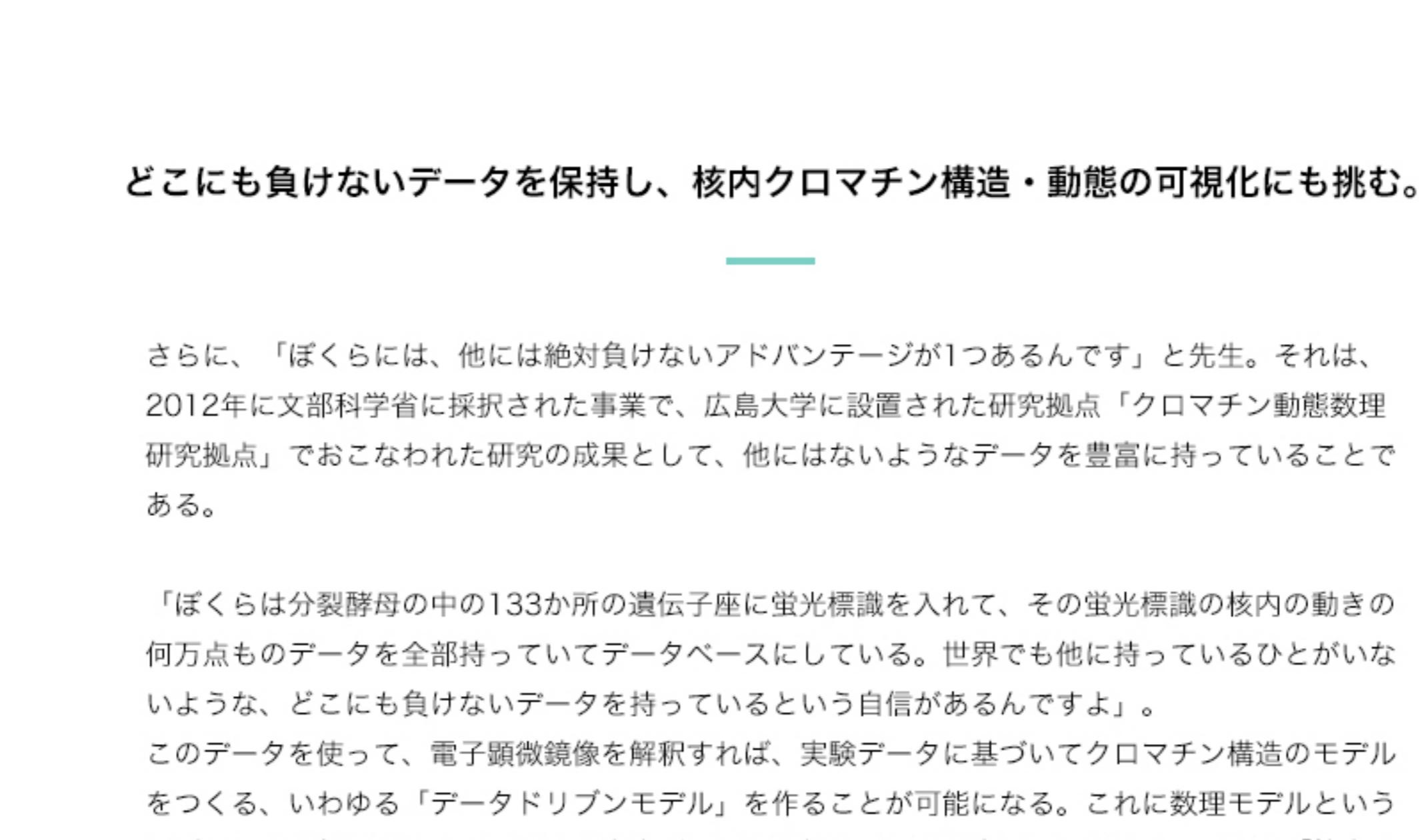
先生は、分子が持っている物理的な特性や動き、形の変化といったものが、生命現象の制御にどのように関わっているかを解明しようとする研究をおこなっており、学生時代から学んできたNMR（核磁気共鳴）という方法を武器としている。

タンパク質は特定の立体構造になっており、その立体構造が、分子の機能発現に重要であるということはよく知られているが、2003年にヒトゲノムの解読終了が宣言されると、網羅的ゲノム解析の結果から、哺乳動物のタンパク質の50%は、安定的な立体構造を保持しない天然変質領域（ID領域）であることが分かつてきた。「つまりそれは、過去70年の構造生物学の歴史が実は、タンパク質という分子の片側の側面しか見てこなかったということを意味するんですよ」と先生。そこで、残る50%、タンパク質の形がない部分はどういう構造と機能を持っているのか、構造解析とそれに基づく機能解析が注目されるようになり、いまや世界中の研究者の関心はそこにある。橋先生もまた、タンパク質構造の揺らぎが持つ機能上の役割の解明を目指し、特に、ID領域が持つ新たな機能の解明を中心研究を進めている。特徴的なのは、新規構造解析技術の開発を基盤として、新たなタンパク質構造研究を独自に進めている点だ。

「NMRは溶液の中のタンパク質の構造を決められる点に特徴があるけれども、一方であまり大きな分子は扱えない。薬の標的になるようなタンパク質は、NMRで構造解析できる分子量限界である30kDaを超えてしまっているんですね。そこにはどうしても新しい技術開発が必要になる。そこでぼく達は、そうした高分子量タンパク質を対象として、タンパク質が機能する際に発現する分子形態変化を定量的かつ高精度で観測するNMR技術の開発を進めた訳です」。



DHFRの活性ループ構造の二つの時間域での揺らぎと酵素反応制御



高分子量タンパク質の分子形態変化を観測するNMR技術開発に成功。

先生は新たな計測技術をDIORITE（Determination by Induced ORientation by TroSY Experiments）と名付けた。DIORITE法では、通常のNMRでは使われない「異方性スピン相互作用」を利用する。そして、高分子量タンパク質でも高精度で観測できるTroSY（Transverse Relaxation Optimized Spectroscopy）シグナルの磁場配向依存の変化から分子配向テンソルを決定することにより、分子量限界を克服したという。（※1）

「平たく言うと、タンパク質の形を持っている部分については、X線結晶構造解析によって解かれていって、プロテインデータバンクに立体構造情報が膨大に蓄積されている。しかし、タンパク質の形を持たない部分、安定的な立体構造を保持しない部分では実は、かたまりがピーズ状につながっていることがある。そのため同じ同士が空間的にどうやって向きを変えるのかというのが非常に重要なだけれども、その解析が非常に難しかった。DIORITE法というのは、そのピーズ状につながったかたまり同士の空間的な位置がどう変化するか、そこに薬がからむとどう向きが変わるかというのを、きわめて正確に解析するNMR技術を使った計測技術なんです」と橋先生。

同じく先生の研究グループが開発した、さまざまなタンパク質に対して最適な磁場配向状態を作る試料調整技術などを駆使して、最適なコンディションさえうまく作ってやれば、実用上、十分な解析精度を発揮する技術であることが検証実験によっても証明されている。画期的なこのDIO-RITE法は現在、国内および国際特許をすでに取得済みである。

(a) Apo型MBP結晶構造 (PDB: 1OMP) (青), (b) マルトース結合型MBP結晶構造 (PDB: 1ANF) (青)との比較

DIORITE法で決定したマルトース結合型MBPのNドメインの配向（赤）、

（a）Apo型MBP結晶構造 (PDB: 1OMP) (青), (b) マルトース結合型MBP結晶構造 (PDB: 1ANF) (青)との比較



どこにも負けないデータを保持し、核内クロマチン構造・動態の可視化にも挑む。

さらに、「ぼくらには、他には絶対負けないアドバンテージが1つあるんです」と先生。それは、2012年に文部科学省に採択された事業で、広島大学に設置された研究拠点「クロマチン動態数理研究拠点」でおこなわれた研究の成果として、他にはないようなデータを豊富に持っていることである。

「ぼくらは分裂酵母の中の133カ所の遺伝子座を蛍光標識を入れて、その蛍光標識の核内の動きの何万点ものデータを全部持っていてデータベースにしている。世界でも他に持っているひとがいるくらい、どこにも負けないデータを持っているという自信があるんですよ」。

このデータを使って、電子顕微鏡像を解釈すれば、実験データに基づいてクロマチン構造のモデルをつくる、いわゆる「データドリブンモデル」を作ることが可能になる。これに数理モデルというアプローチも加えることで、これも先生が長く取り組んでいる研究テーマのひとつである「核内クロマチン構造・動態の可視化」に大きく近づくことができると先生は言う。

「クロマチン動態数理研究拠点」には、細胞生物学・分子生物学を専門とする実験系の研究者と、計算系とともに数理モデルを構築し物理的機構の解析を進める数理科学系の研究者が集まり、緊密な連携のもとにさまざまな融合領域研究を行っており、その枠組みはいま健在だ。

「規模の大きな研究グループで、規模の大きな研究をやるということが先端研究につながってくる。いまいちばん知らなきゃいけない問題はどこのあるのかということをシャープに考えると、やはりひとりでやるのは絶対無理で、大勢の研究者を巻き込むようなチーム研究になってくる」。

橋先生の研究への想いはぶれることはないが、手法や研究対象はこうした理由で、どんどん変化しているのだという。新しいNMR技術についても、先生は、「ぼくにとってはもうすでに過去の技術」と言い、「いまは電子顕微鏡でどこまでいくかということが興味の中心」と前を向く。

その想いは研究室にも反映されている。現在、研究室の半分ではNMRでの研究が、もう半分では電子顕微鏡での研究が行われており、学生たちは、電子顕微鏡のサンプルづくりを身につけるために、NIH（アメリカ国立衛生研究所）やソウル大学等に数か月派遣されることもあるという。今後の研究はどこまで進んでいくのだろう。最後に展望を明かしてもらった。

「短期的な目標としては、核内クロマチン構造を完璧に可視化するということ。染色体がどういう風に形を変えて、遺伝子制御や細胞の分化、外からの刺激への応答などにどのように関わっているのかをちゃんと理解したい、できればモデル化まで持っていかひとと区切りかなあと思っています。ぼくが退職を迎える頃までは、そこまで行きたいたですね。いま酵母でやっているのを、最終的には医療応用まで考えて、ヒトの細胞を対象にやっていたいんですけど、それには電子顕微鏡そのものの技術革新がないと上手くいかないのではないかと思います。そこはぼくの領域を超えてるので、専門家の皆さんにがんばっていただきたい」。

さらに、NIHの研究グループと共に進めている『核内クロマチン構造解析に関する研究』については、「先ごろ、一定の成果を得られました。発表の段階に至るのが楽しみです」とほほ笑んだ。

※1.詳細はhttps://www.jstage.jst.go.jp/article/biophys/51/2/51_2_084/_pdf 「NMRで観測する超高分子量タンパク質の分子形態」を参照

橋 真一 教授

Tate Shinichi Prof.

分子生物物理学研究室

1985年3月 東京大学 農学部 卒業

1987年3月 東京大学大学院 農学系研究科 修士課程 修了

1989年3月 東京大学大学院 農学系研究科 博士課程 単位取得後退学

1993年 博士（農学）（東京大学）

1993年4月～2005年9月 生物分子工芸研究室 機能制御研究部 部長

2005年10月～2008年3月 JST さきかけ 研究員

2006年4月～2019年3月 広島大学大学院 理学研究科 数理分子生命物理学専攻 教授

2019年4月～ 広島大学大学院 総合生命科学研究科 教授

一覧へ戻る